



ЗАКЛЮЧЕНИЕ

Преимплантационное генетическое тестирование "PGT-SNP" Определение родства эмбриона

Пациент:
Дата рождения:
Пациент:
Дата рождения:

Дата биопсии:
Дата забора крови:
Направительный диагноз:
Тип биоматериала:

РЕЗУЛЬТАТЫ ИССЛЕДОВАНИЯ

Номер эмбриона	Формула (ISCN 2020)	Клиническая интерпретация	Пол	Рекомендация к переносу
1	arr(X,Y)x1,(1-22)x2	Несбалансированных хромосомных аномалий не обнаружено	М	Рекомендован к переносу
4	arr(X,Y)x1,(1-22)x2	Несбалансированных хромосомных аномалий не обнаружено	М	Рекомендован к переносу

**При анализе происхождения этих эмбрионов установлено, что родство
в отношении их не исключено.**

Проведенное исследование позволяет с высокой точностью определить целочисленные и сегментарные хромосомные аномалии, размером от 1 млн. п.н. при достаточном количестве ДНК в образце. Метод позволяет определять мозаичные хромосомные аномалии с уровнем мозаицизма от 20%, участки отсутствия гетерозиготности и триплоидии.