



ЗАКЛЮЧЕНИЕ
по результатам молекулярно-генетического исследования

Номер договора:

Вид биоматериала:

Пациент:

Дата рождения:

Дата забора материала:

Пол:

Дата поступления материала в лабораторию:

Диагноз:

Дата готовности исследования:

Вид исследования: Рак легких, расширенная панель

Метод исследования: Секвенирование РНК нового поколения (NGS), секвенирование ДНК нового поколения, NGS), флуоресцентная in situ гибридизация (FISH).

Мутации, обнаруженные в опухоли

Положение (hg19)	Ген	Положение в кДНК	Замена АК	Частота аллеля*	Идентификатор dbSNP[1]	Идентификатор COSMIC[2]	Покрытие
Не обнаружено							

*Доля мутантного аллеля в образце

Не обнаружено мутаций в генах *EGFR*, *KRAS*, *BRAF*, *MET*, *ERBB2*.

Транслокации, амплификации, обнаруженные в ткани опухоли

Обнаружена амплификация гена *Her2/neu* в опухолевых клетках исследованного материала.CEP17 – 4,8; *Her2/neu* – более 6,0.(Проба ON ERBB2, *Her-2/neu* (17q12)/SE 17 (Kreatech))

1. Не обнаружена амплификация гена *MET* в опухолевых клетках исследованного материала (проба ON C-MET (7q31)/SE 7 (Kreatech)).
2. Не обнаружена транслокация гена *ALK* в опухолевых клетках исследованного материала (проба ON ALK (2p23) Break (Kreatech)).
3. Не обнаружена транслокация гена *ROS1* в опухолевых клетках исследованного материала (проба ON ROS1 (6p22) Break (Kreatech)).
4. Не обнаружена транслокация гена *RET* в опухолевых клетках исследованного материала (проба ON RET (10p11) Break (Kreatech)).
5. Не обнаружена транслокация гена *NTRK1* в опухолевых клетках исследованного материала (проба NTRK1 Break Apart Probe (CytoTest®)).
6. Не обнаружена транслокация гена *NTRK2* в опухолевых клетках исследованного материала (проба NTRK2 Break Apart Probe (CytoTest®)).
7. Не обнаружена транслокация гена *NTRK3* в опухолевых клетках исследованного материала (проба NTRK3 Break Apart Probe (CytoTest®)).

ОПИСАНИЕ ИССЛЕДОВАНИЯ

Список генов, включенных в анализ: *EGFR*, *KRAS*, *BRAF*, *MET*, *ERBB2* (*Her2/neu*), *ALK*, *ROS1*, *RET*, *NTRK1*, *NTRK2*, *NTRK3*.

Методы исследования, используемые в исследовании: секвенирование РНК нового поколения (образец имеет сниженное качество выделенной РНК), секвенирование ДНК нового поколения (Next Generation Sequencing, NGS), флуоресцентная in situ гибридизация (FISH).

ССЫЛКИ НА ИСПОЛЬЗОВАННЫЕ БАЗЫ ДАННЫХ И ЛИТЕРАТУРУ

- 1) <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/snp/>
- 2) <http://cancer.sanger.ac.uk/cosmic>

**Зав. отделом лаборатории
направления онкогенетика:**

Врач-генетик: