

**ЗАКЛЮЧЕНИЕ**

по результатам молекулярно-генетического исследования:  
Поиск наиболее частых мутаций в экзонах 10, 11 гена *RET*

Пациент:

Дата рождения:

Вид биоматериала:

Пол:

Дата забора материала:

Дата поступления материала в лабораторию:

Дата готовности исследования:

**Результаты ДНК-анализа**

Транскрипт: NM\_020975.4

| Ф.И.О. | <i>RET</i> , экзоны 10, 11 |
|--------|----------------------------|
|        | [=];[=]                    |

**Заключение:** методом прямого автоматического секвенирования исследован образец ДНК с целью поиска патогенных вариантов в экзонах 10, 11 протоонкогена *RET*, в которых локализуется более 80 % герминальных мутаций, ответственных за синдром МЭН2А и семейный медуллярный рак щитовидной железы.

В результате анализа патогенных вариантов не обнаружено.

Отсутствие патогенных вариантов полностью не исключает наследственную природу заболевания.

**Результат молекулярно-генетического анализа может быть верно интерпретирован только врачом.**

Врач-генетик